

Mardi 9 décembre

Session 1 : Du génome aux effecteurs 13:00-16:00

Stratégies de séquençage, prédiction d'effecteurs, analyses in silico...

Chair : **Sebastien Duplessis + Pierre Abad**

Speakers 10' de présentation + 10' de discussion

F. Panabieres (Oomycetes)

Les effecteurs de type RxLR chez *Phytophthora parasitica*.

B. Dumas (Oomycetes)

Les effecteurs d'*Aphanomyces euteiches*, oomycète parasite de légumineuses.

I. Fudal & T. Rouxel (Champignons)

Recherche d'effecteurs dans le génome de *Leptosphaeria maculans*

Cécile Ribot (Champignons)

Recherche d'effecteurs dans le génome de *Magnaporthe oryzae*

Sebastien Duplessis (Champignons)

Analyse du secretome de *Melampsora larici-populina* par une approche génomique

L. Noel (Bacteries)

Effector prediction in *Xanthomonas*

R. Koebnik (Bacteries)

Effector prediction: what can we learn from the weather forecast?

T. Boureau (Bacteries)

diversité des répertoires d'effecteurs de type III dans l'espèce *Xanthomonas axonopodis*

discussion générale 30'

Pause 30'

Session 2 : Des effecteurs aux cibles dans la plante 16:30-18:40

Etude en profondeur de quelques effecteurs remarquables, diverse approches, divers outils.

Analyse des cibles végétales dans interaction...

Chair : **Nemo Peeters + Laurent Deslandes**

Speakers 10' de présentation + 10' de discussion

A. Degrave (Bacteries)

Rôle de l'effecteur de type III DspA/E au cours de l'interaction *Arabidopsis/Erwinia amylovora*

P. Remigi (Bacteries)

les effecteurs GALA de *Ralstonia solanacearum* et leurs cibles végétales

Laurent Deslandes (Bacteries)

Arabidopsis components targeted by PopP2, a Type III effector from *Ralstonia*

Bruno Favery (Nematodes)

Arabidopsis functions involved in disease susceptibility

J. Hirsch (Champignons)

Bases moléculaires de la sensibilité du riz à *Magnaporthe oryzae*

discussion générale 30'

Dinner au resto à partir de 20 :30

Mercredi 10 décembre

Session 3 : Analyse fonctionnelle d'effecteurs. 8:20-10:00

Approches systématiques d'analyse des effecteurs, méthodes moyen débit, divers cribles phénotypiques, fonctionnels.

Chair : **Boris Szurek + Thomas Kroj**

Speakers 10' de présentation + 10' de discussion

Marie-Noëlle Rosso (Nematodes)

Identification et analyse fonctionnelle par RNAi des effecteurs du nématode à galle

Stéphane Belafiore (Nematodes)

Approche protéomique: Identification du secretome de *Meloidogyne incognita* par "shotgun proteomic"

Boris Szurek (Bacteries)

Functional analysis of TAL effectors in African *Xanthomonas oryzae oryzae*

Stephane Genin (Bacteries)

Les 75 effecteurs Type III-dependants de *R. solanacearum* GMI1000: approches fonctionnelles

T. Kroj (Champignons)

Analyse fonctionnelle d'effecteurs du champignon *Magnaporthe oryzae*

30' Pause

Sessions 3 bis : Analyse fonctionnelle des effecteurs. 10:30-11:40

E. Galiana (Oomycetes)

Les biofilms formés par les oomycètes à la surface des plantes hôtes rôle des effecteurs

N. Peeters (Bacteries)

Systèmes expérimentaux translocation effecteurs, vers des approches in vivo ?

discussion générale 30'

Sessions 4 : Utilisation et perspectives du réseau effectome 11:40-13:00

Chair : **Thomas Kroj + ????**

discussion générale 80'

Déjeuner à la cantine CIRAD-Lavalette 13:00